

$\triangleleft$									<
110	CGGCGATCCGATCA-C-ACTCACCTGACCGAAG	999	N. avium TCARGERGARGEGC-TREGRECTGGETGGGETGGGETGGGTGGATGARGARGATGATGGETTGAGCTGATGCCANTCACC-TGETGAGCATGAG Lalcarans TCARGEAGARGEGC-TREGRECTGGETGGGTGGAGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG	fortaltum TCARGEARARECG-TRCGACCCGTGGGCCGCTGCARGETCARCARGATGGCCTGARCGC——CGGCCRGCGATCRGG-TCETCGRCG-TCETCARCG-TCETCGRCG-TCETCGRCG-TCETCGRCG-TCETCGRCG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARGG-TCARCARG	And destinate sometimes.  M. tubersulosis TCHRIGHERINGCE-IRCERCCEGETCGETCGETCGETCHRIAGETCHRICHGETCGHCTCGETCGTTCHTCHCE-TCGTCGRCE-TCGTCGRCE-TCGTCGRCE-TCGTCGRCE-TCGTGRCE-TCGTGRC	N. africanum TCARGARGHAGUSCULTRUCHUULUUGUULUB LULUI HIRIBU LUUULUUULUUULUULUULUULUULUULUULUULUULU	N, henophilun TCARGERGARGCGC-TRCGCCCGCGCTGGTCGTTACARGETCARCARGARGCTCGGGTTGCRCGCGGTGAGCCGATCRCG-RUCTCGHCG-RUCTCGRCCCARG N, heldogense TCARGEGGARGGCC-TRCGCCTGGCCGCTGCGCTGCCGTTACARGARGAGCTCGGGCTGCCGGCCGCCGGCCGGTGCCGGCTGACCARG N, hendogentargagGGCTRCGACCCGGGTGGGCCCGTGCARGARGATCGGGCTGARCACCGAGARTGCGGCGARCC-HCCRCGRCTGACCARGA	N.chalona TCARGRARGCG-TRCARCTGGCCGGGTGGGCCGGTRCARGGTGARTCRGGTGTTGGGTGTTGGGC——GTGCCARCCGGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTG N.chalona TCARGGGGGGTGGGCTGGCCGGTGGTRCARGGTGGARGAGGGGGGGGGG	M.scrofulscom TCHRGENGHRUCC-INCRECTGGCCCGCGTGGGCGCTRCHRGFGTCHRCFFGCTGGGTTGCACGC—CG-GCGGGCGGA-TCHTCHCGTGGTCGACGCTGACGCTGACGCGAGGGGGGGGGG
100	-C-AGCTCGAC-	C-RECTCERC		-6-10610680- -c-86110680- -c-86010680-	-6-TC6TC6AC- -6-TC6TC6AC-		-6-HGCTCGHC -C-GCCTCGHCC -C-HCCHCGHCC	TG-ACTGCCAC TG-ACCRCCACCACCACCACCACCACCACCACCACCACCACCA	CENCENCENCENCENCENCENCENCENCENCENCENCENC
8	TCBC				TCAC-			SECTOTOS SECTORIS SECTOS SECTOS SECTOS	F-104
<b>8</b> 8 1	CGGCGATCCGF	H_gordonal   LHRUMHATHILLH	H, avium TORRGEBGRAGCGC-TRCGRCCTGGCTCGGGTGGGCCGCTRCRRGGTCRCRRCRAGGCTGGCCTGGC	M, fortaltum TCHRGERGARGCG-TRCGRCTGGCCGCTGGCCGCTRCARGGTCARCARGARGTGGCCTGARGACGTCGGCCTGARCGCTGGCCGGTGCGGTG	1333833333 1333833333		CGGTGRGCCG GGCCGRGTCGGCC CGRGRRTGCG	616CCBRCCC 6CBCCCBRTCCC 6RBCCCGGCCC	CG-GCGAGCCGATC/ CG-ATCATCCGATC/ cggc agcCgatcaC
92	CTGCATGT	CTGCRCGT	CTGCRCGC CTGRRCGC CTGRRCGC	CTGRACGO CTGRACGT CTGCACGO	CTGCATGT	CTGRACAC	TGCRCGC CTGCCGGC CTGRRCRC	CTTGGCG- CTGGGCG- ATCGCGG	CTGCACGC CTGARCAC CTg acgc
99	AGCTGGGC	AGCTCGGC AGCTCGGT AGCTCGGT	MGCTC66C MGCTC66C MGCTC66C	AGCTGGGC AGCTCGGT AGCTCGGC	MGCTCGGG MGCTCGGG	MGCTGGGC MGCTGGGC	MGCTCGGG MGCTCGGG MMCTCGGG	MGCTGGGT MGCTGGGC MGCTGGGC MGCTGGGC	MGCTGGGT MGCTGGG MGCTcGG
<u> </u>	IGGTCAACAAGA	GGTCANCANGA GGTCANCANGA GGTCANCANGA	TGGTCARCARGA TGGTCARCARGA TGGTCARCARGA	TGGTCARCARGA TGGTCARCARAA TGGTCARCARGA	IGGTCARCAGA IGGTCARCAGA	TOTAL CHITCHIGH TEGT CHRCHAGA TEGT CHRCHAGA	AGGTCARCARGA AGGTCARCARGA AGGTCARCARGA	HEGTERRCRAGE REGTERRCRAGE REGTCARCRAGE REGTCARCRAGE	RGSTCARCARGA RGSTCARCARGA RGSTCARCARGA
<b>\$</b> .	SCGCTRCA	SCCGCTRCRICAL SCCGTRCRICAL SCCGTRCTRICAL SCCGTRCRICAL SCCGTRCRICAL SCCGTRCRICAL SCCGTRCRICAL SCCGTRCRICAL SCCGTRCRICAL SCCGTRCTRICAL SCCTRCTRICAL SCCGTRCTRICAL SCCGTRCTRICAL SCCGTRCTRICAL SCCGTRCTRICAL SCCGTRCTRICAL SCCGTRCTRICAL SCCGTRCTRICAL SCCTRCTRICAL SCC	SCCECTRONS STCECTRONS SCCECTRONS	SCCECTRCA SCCETTRCA SCCETTRCA	STCGCTRTR	SCCONTRON	STCGTTACA SCCGTTACA SCCGCTACA	ECCEGTRON GTCGGTRCN GTCGGTRCN GTCGCTRCN	GCCGCTRCR GCCGCTRCR GCCGCTRCR
8	GCCCGTGTCGC	GGCCCGTGTCGC GGCCCGTGTCGC GGCCCGGGTGGC	66CCC666TG6 66CTC6C6T66T 66CCC666T66T	GGCCGCGTGG GG-TCGCGTCG GGCGCGTGTCG	GCCCGCGTCG GGCCCGCGTCG	66CCCGTGTCG 66CCCGTGTCG 76CCGCGGTGG	66CCC666TTG 66CCAG66TTG 66CCC666TGG	GGCCCCGTGG GGCCCCTGG GGCCCGCGTGG GGCCGCGTGG	6600600000 66006060000 660°06 67g6
22	TACGACCT		TREGRECT	TRCGRCCT	TACGRECT	TRCGRCCT TRCGRCCT	TREGRECT	TRCGRCCT TRCGRTCT TRCGRCCT	
10	1. gordonae IV TERREGRERARIE CGC-TREGREECET FEGE CGCT FEGE CGCT FREE FREE FREE FREE FREE FREE FREE FRE	HRGHGARGECC.	CHICGREAMCCCC- CHICGREAMCCCC- CHICGREAMCCCC-	THE GREAT HECEC.	THE GREAT GCCC	THE GREEN BECELONING THE PROPERTY OF THE PROPE	CHREGHERRECEC- CHREGHERRECEC- CHREGHERRECEC-	CANGGAGANGCGC CANGGAGANGCGC CANGGAGANGCGC	<b>ofulaceum</b> TCHREGREGRREGGGTRIGRECTIGGCCGGTICGGCCGCTRICARGGTCRRCARGTGRGCTGGGTCTGCRCGGC. M.gaalli ICHRGGRGRRGCGC-TRICGRCCTGGCCGGTGGGCCGTRCARGGTCRRCARGGRGCTGGCCTGRCRCRCARGGTGGGCCTGRCRCCCGCTGRCARGGTGRGCTGGGCGCTGRCGGGCTGRGGGTGRGCTGGGGCTG acgo
<b>н</b>	gordonaeIV T	1.gordonael    gordonaelli     gordonaelli	M.ulcerans T	M.fortuitum Ti M.szulgai Ti	ocernated the property of the	1.africanum T M.kamsasii T M.cellatum T	henophilun I. I. nalnoense I	M.chelonas I M.abscessus I flavescence I	crofulaceum T M.gastri I Consensus T
	<b>z</b>	~ ===	Ī	- :	A. T.	-	***	- :	M.



	13)
	ÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖÖ
230 235	
230	
220	TTCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTCGRG GCCGGTCGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG GCCGGTGGRG
210	FRCTGGTCCGCTCCRC——————GRGGGTFAGFAC——ACGRTGACCGTCCGGGCGCGCCCCRGGTTCCGGTGGAGGACCGCCACTTGGTGGAGGACCACTTGGTGGAGGACCACTTGGTGGAGGACTTCTGGTGGAGGACCACTTGGTGGAGGACCACTTGGTGGAGGACCACTTGGTGGAGGACCACTTGGTGGAGGACCACTTGGTGGAGGACCACTTGGTGGAGGACTTCTGGTGGAGGACTTCTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGAGGACTTGGTGGAGGACTTGGTGGAGGACTGAGACTGAGACTGAGACTGAGAGACTGAGAGACTGAGAGACTGAGAGACTGAGAGACTTGGAGGAGACTGAGACTGAGACTGAGAGACAACAACAACAACAACAACAACAACAACAACAAC
500	1011010660 1011010660 1011010660 1011010660 1011010660 1011010660 1011010660 1011010660 1011010660 1011010660 1011010600 10110000 1011010600 1011000
190	
180	
170	
160	19000000000000000000000000000000000000
150	HICTGGTCCGCTCCRC——————————————————————————
140	
130	RGENCTICGTCGCCRCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCRCCCHTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGTCGCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCCCCCCNTGNG ANGRICGTCGCCCCCCCCCCCCCCCNTCCCNTCCCNTCCCNTCC
120	HERECT HE
_	_